

## Masterclass #8

## Omics et Hémostase

Joël Haas - Institut Pasteur de Lille

Marjorie Poggi - Marseille, Centre de Recherche en CardioVasculaire et Nutrition



11-13  
SEPT.  
2024

CONGRÈS FRANÇAIS  
d'HÉMOSTASE  
LILLE  
GRAND PALAIS

# Masterclass #8

## Omics et Hémostase

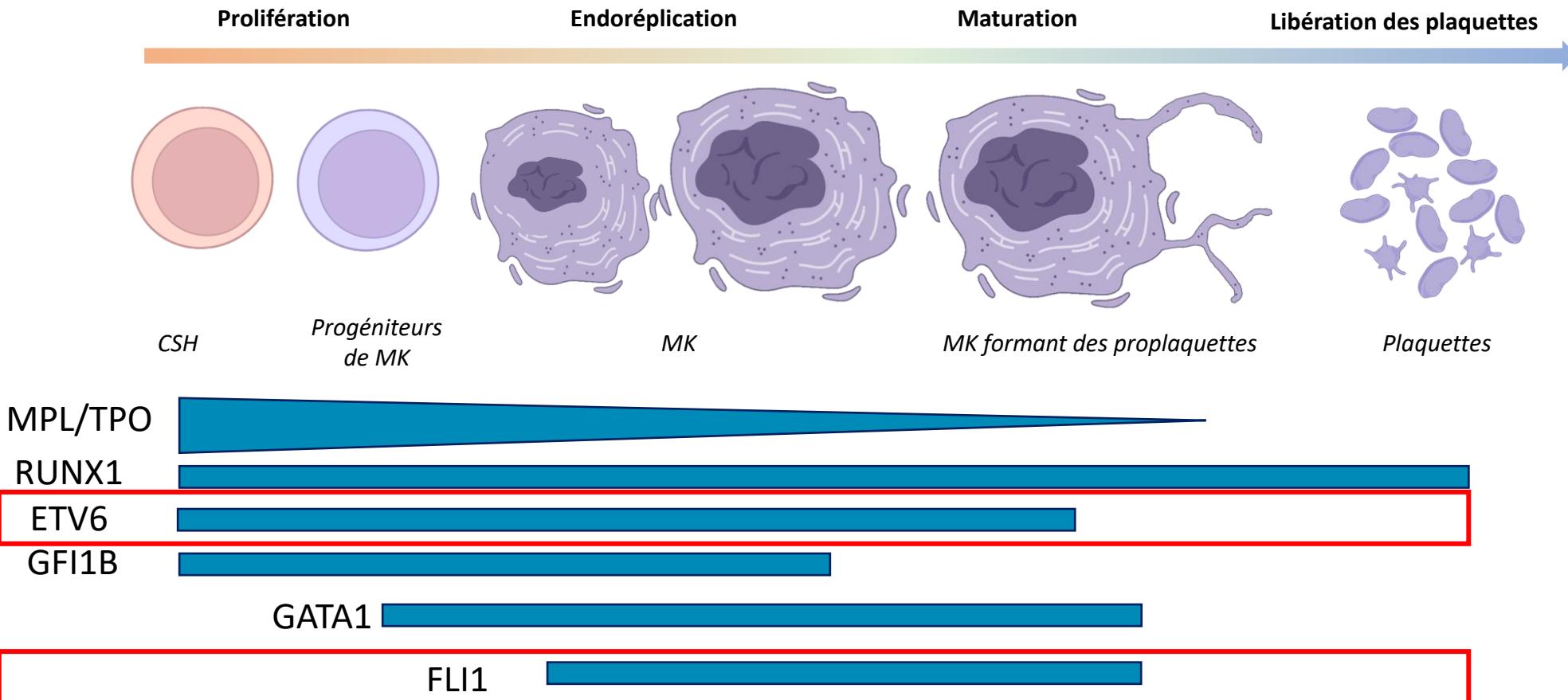
### Exploration fonctionnelle des thrombopénies constitutionnelles: apport du *single cell RNAseq*



Marjorie Poggi - Marseille, Centre de Recherche en CardioVasculaire et Nutrition

amU  
Aix Marseille Université

# La mégacaryopoïèse



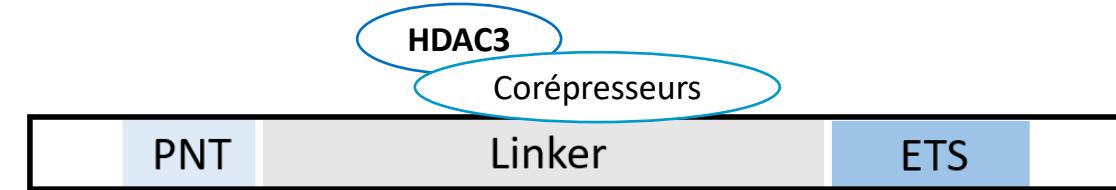


11-13  
SEPT.  
2024

CONGRÈS FRANÇAIS  
d'HÉMOSTASE

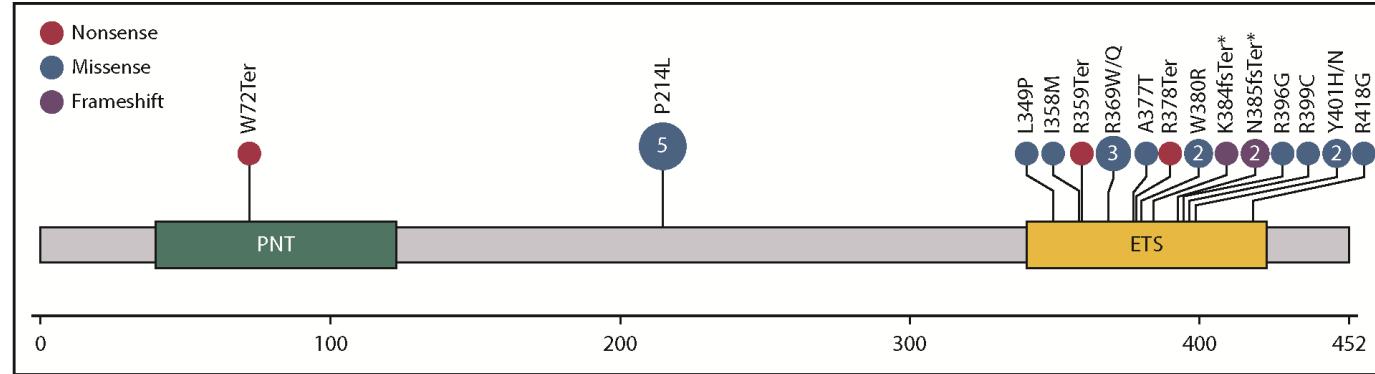
LILLE  
GRAND PALAIS

# Le facteur de transcription ETV6



- Angiogenèse *Whang et al., Genes Dev. 1998*
- Survie des cellules souches hématopoïétiques et maturation des mégacaryocytes *Hock et al., Genes Dev. 1997*
- Cible de réarrangements chromosomiques et de mutations somatiques → hémopathies malignes *Bejar et al., N.Eng.J.Med. 2011*

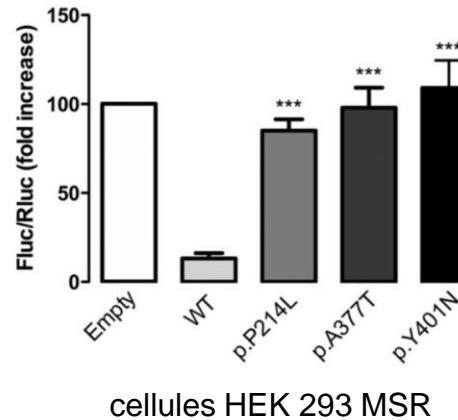
# Variants constitutionnels ETV6



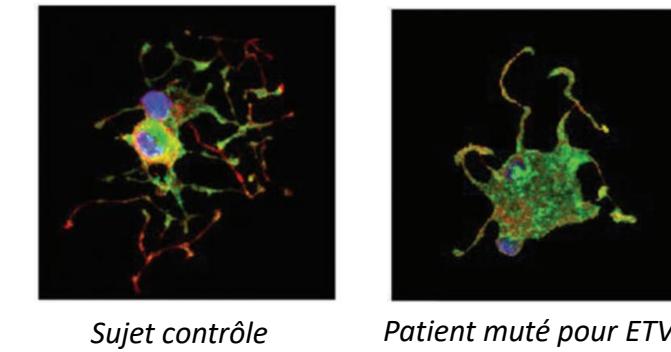
Di Paola et al., Blood 2019

- Thrombopénie légère à modérée
- Prédisposition aux leucémies
- Défauts localisation nucléaire et activité transcriptionnelle
- Défaut de formation des pro-plaquettes
- Défaut de l'expression des gènes impliqués dans l'organisation du cytosquelette au cours de la formation des proplaquettes

## Activité transcriptionnelle



## Formation des proplaquettes



Poggi et al., Haematologica 2017

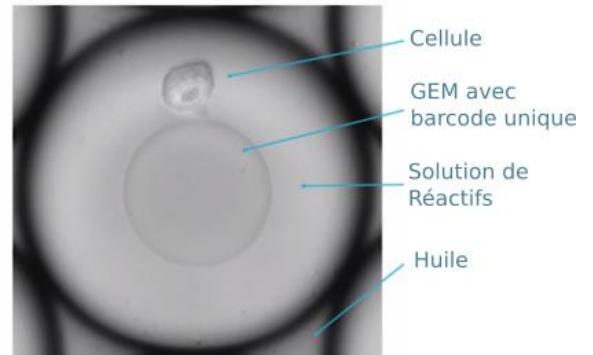
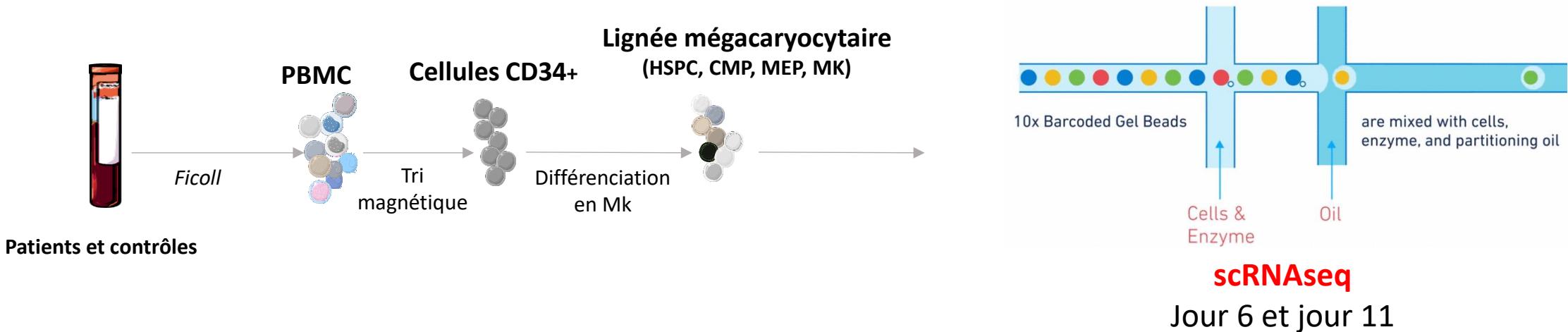
Mécanismes transcriptionnels ?



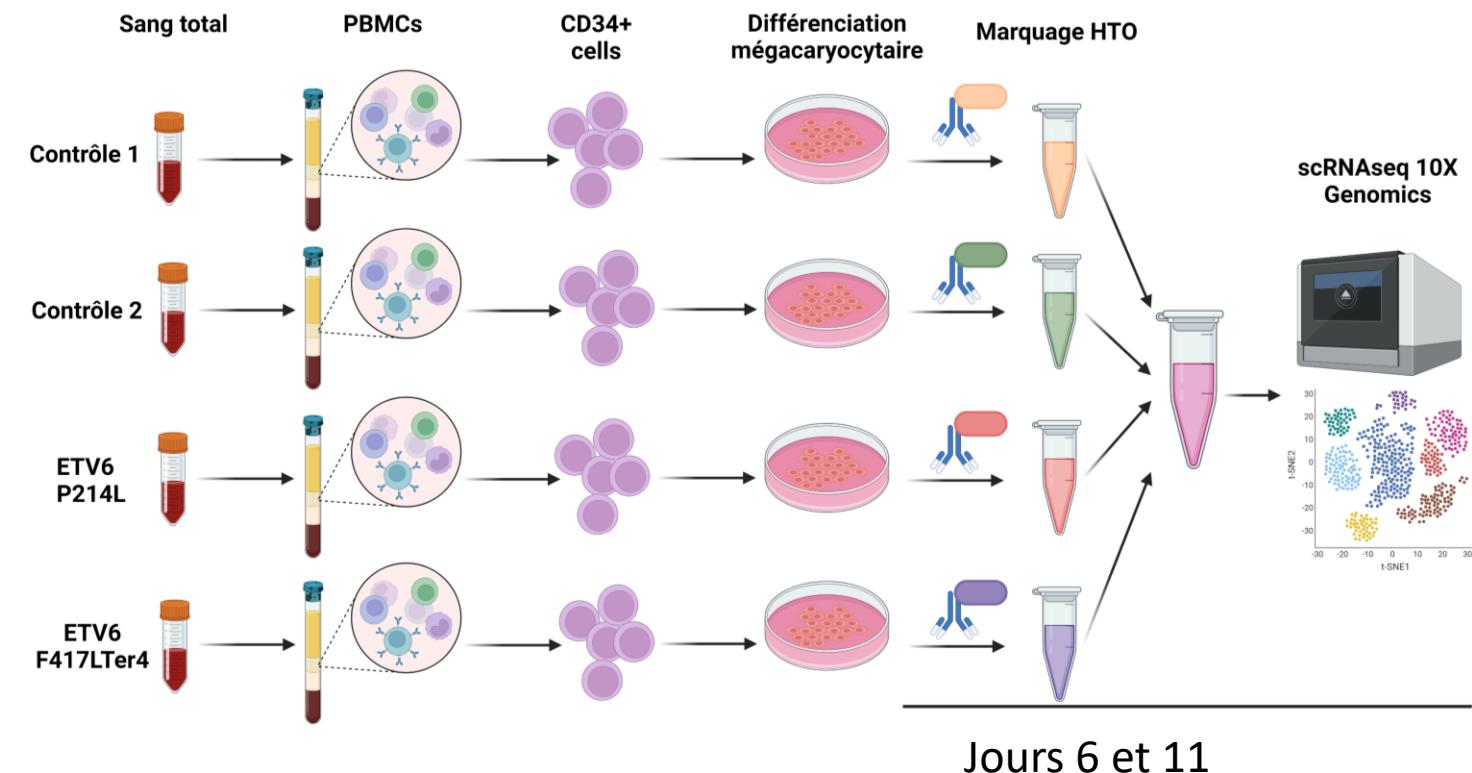
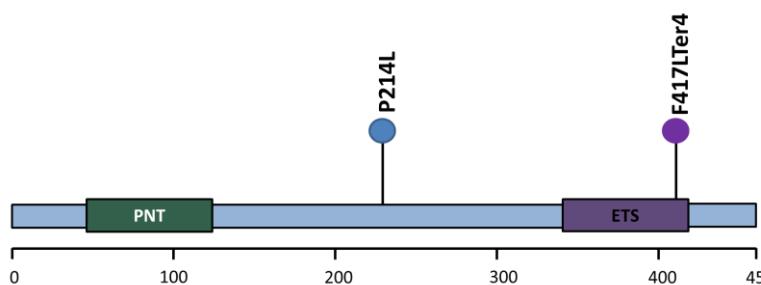
11-13  
SEPT.  
2024

CONGRÈS FRANÇAIS  
d'HÉMOSTASE  
LILLE  
GRAND PALAIS

# Evaluer les conséquences transcriptionnelles des variations d'ETV6 au cours de la différenciation mégacaryocytaire



# HTO – Hash Tag Oligonucleotide



T Bigot, 2023

# Caractérisation de la culture « contrôle »

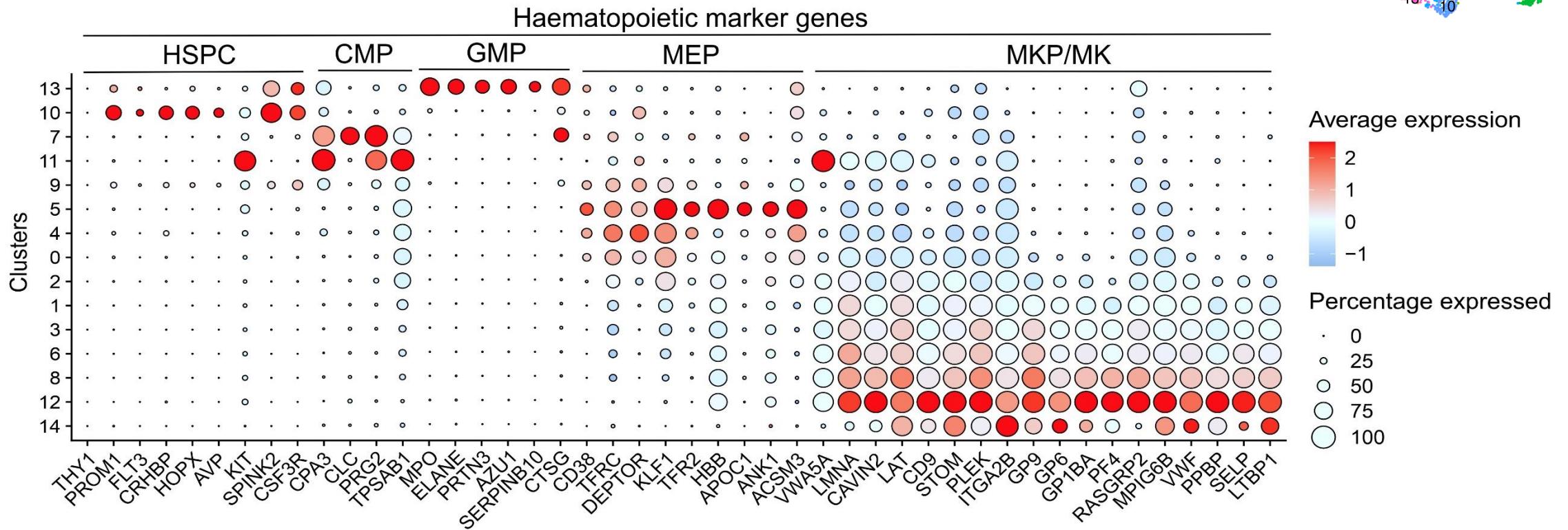
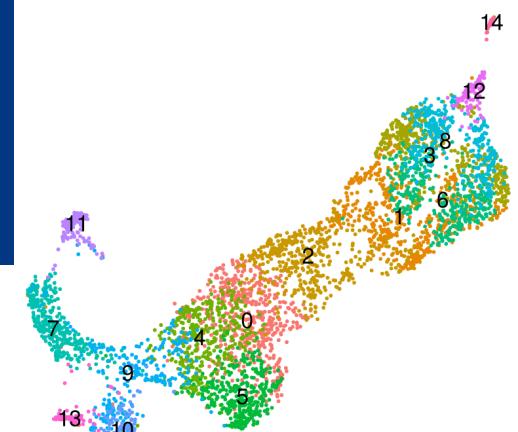


→ Regroupement des cellules en fonction de leur proximité transcriptomique

Bigot et al, JTH, 2023

# Identification des types cellulaires

## Analyse « supervisée »



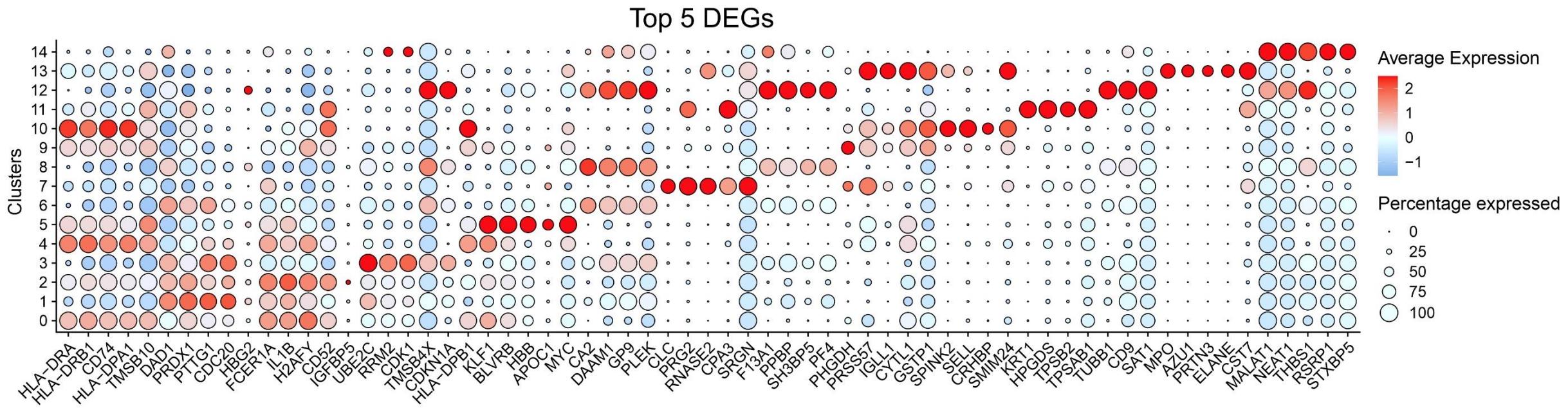
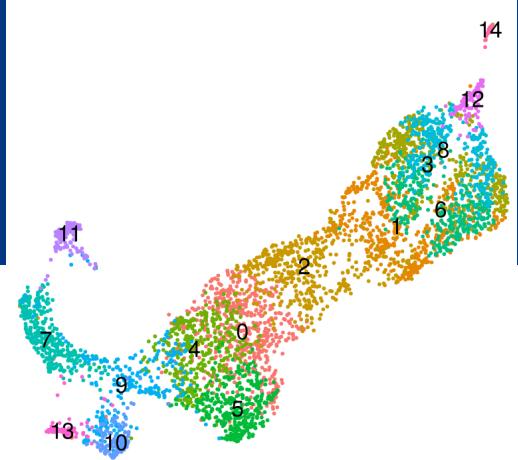
HSPC = Hematopoietic Stem/Progenitors cells  
 CMP = Common myeloid progenitors  
 GMP= Granulocyte-monocyte progenitors

MEP = Mega-Erythroid progenitors  
 MkP/MK = Megakaryocyte progenitors/MK

Bigot et al, JTH, 2023

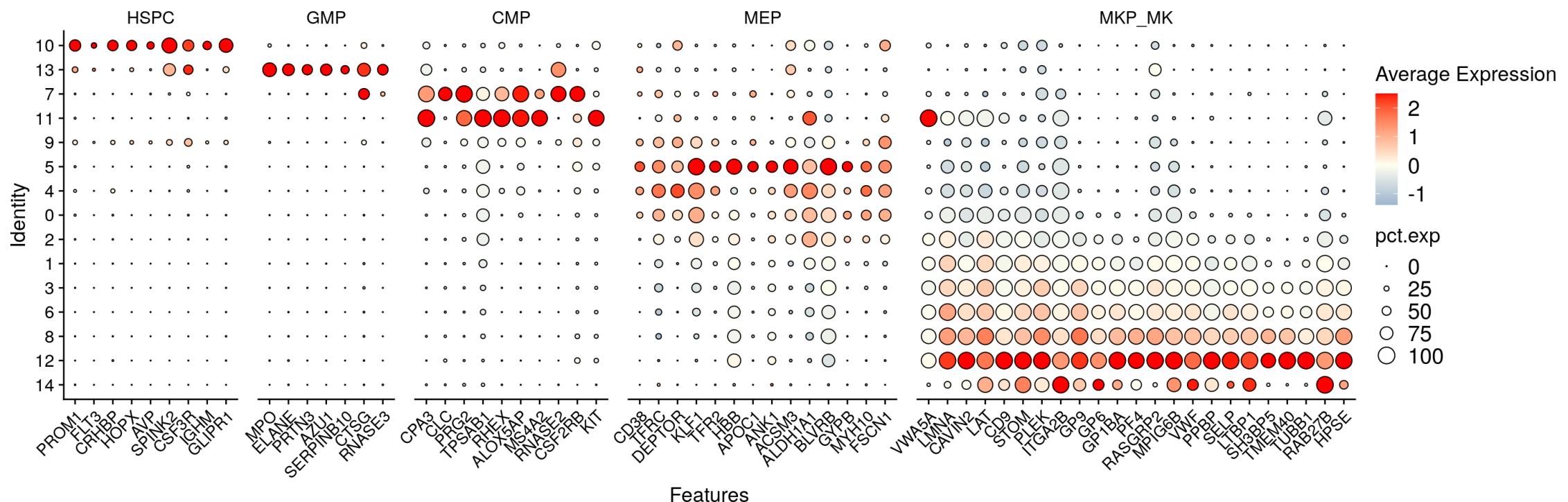
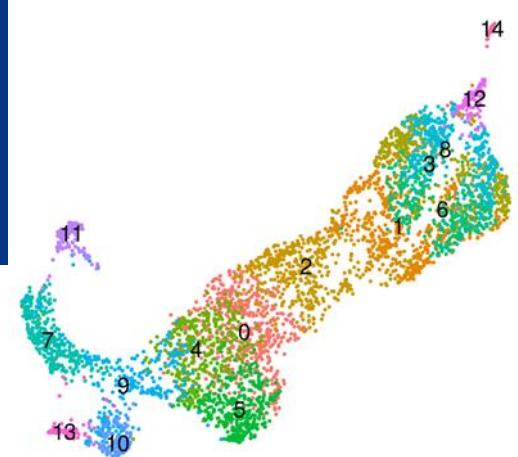
# Identification des types cellulaires

## Analyse « non supervisée »



Bigot et al, JTH, 2023

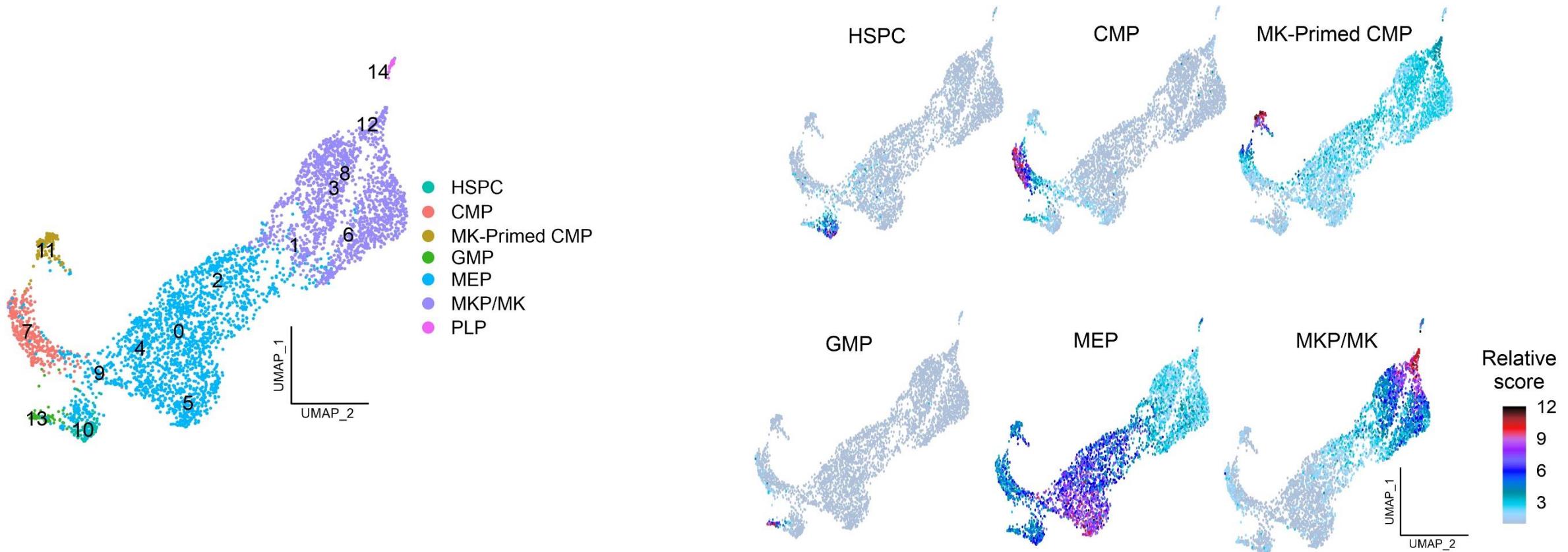
# Identification des types cellulaires



HSPC = Hematopoietic Stem/Progenitors cells  
 CMP = Common myeloid progenitors  
 GMP= Granulocyte-monocyte progenitors

MEP = Mega-Erythroid progenitors  
 MkP/MK = Megakaryocyte progenitors/MK

# Identification des types cellulaires

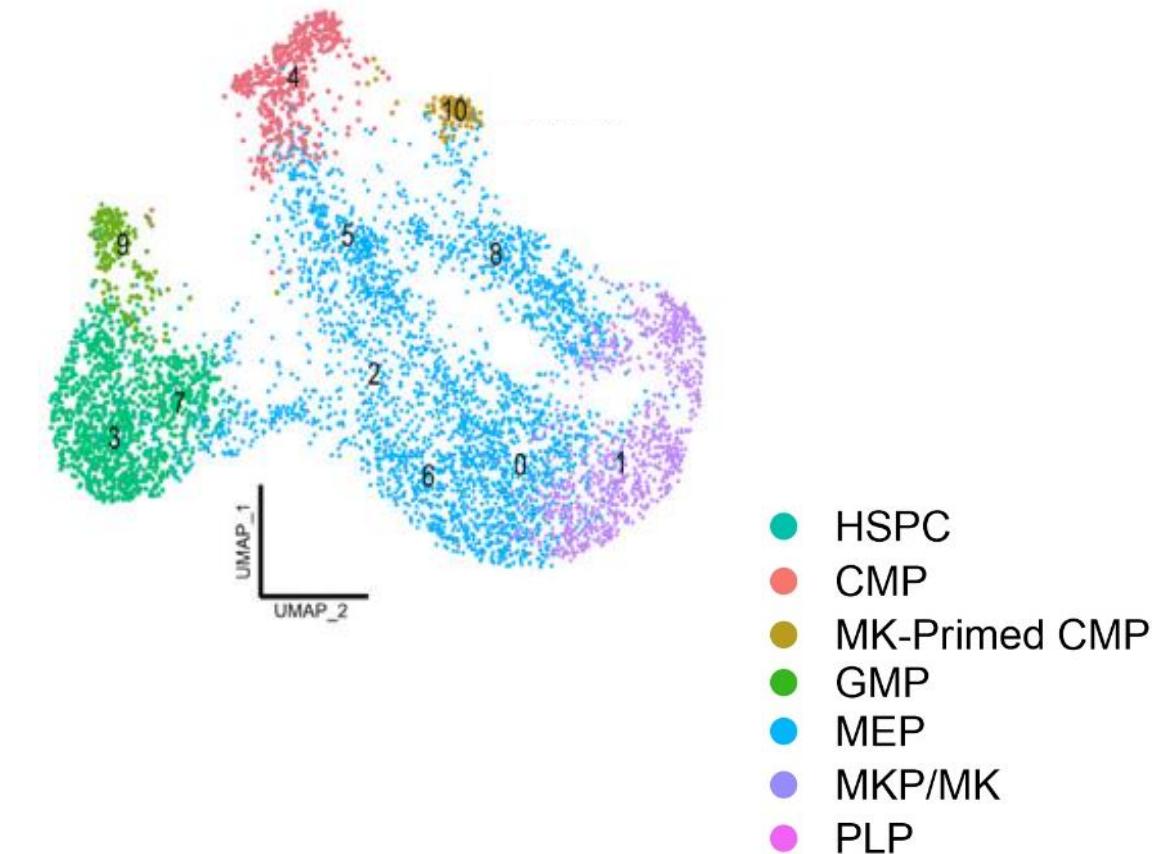
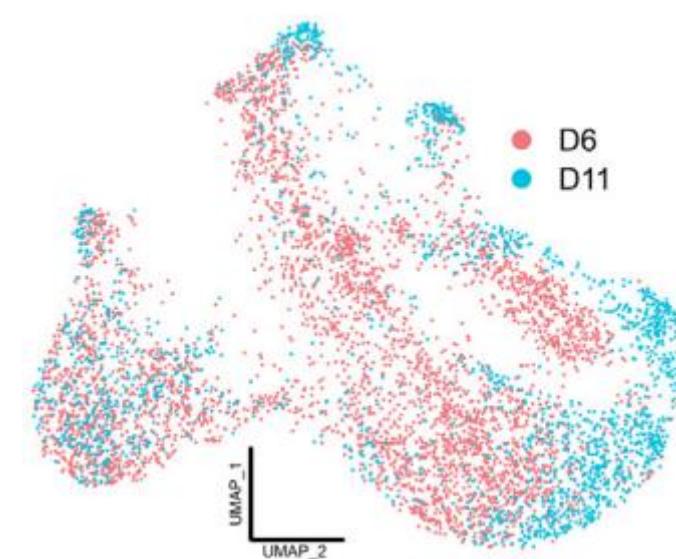


HSPC = Hematopoietic Stem/Progenitors cells  
CMP = Common myeloid progenitors  
GMP= Granulocyte-monocyte progenitors

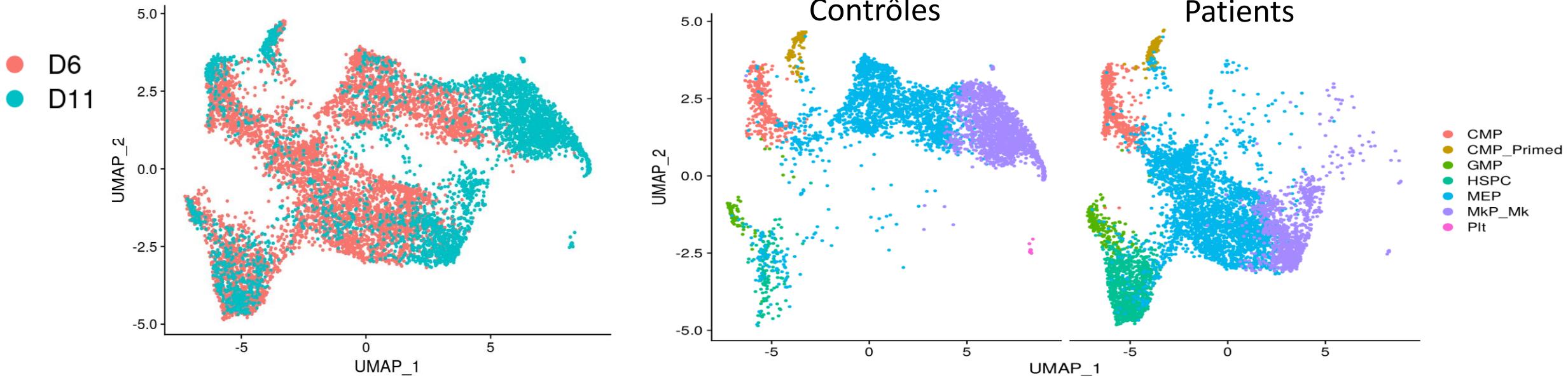
MEP = Mega-Erythroid progenitors  
MkP/MK = Megakaryocyte progenitors/MK  
PLP= platelet-like particles

*Bigot et al, JTH, 2023*

# Identification des types cellulaires déficience en ETV6



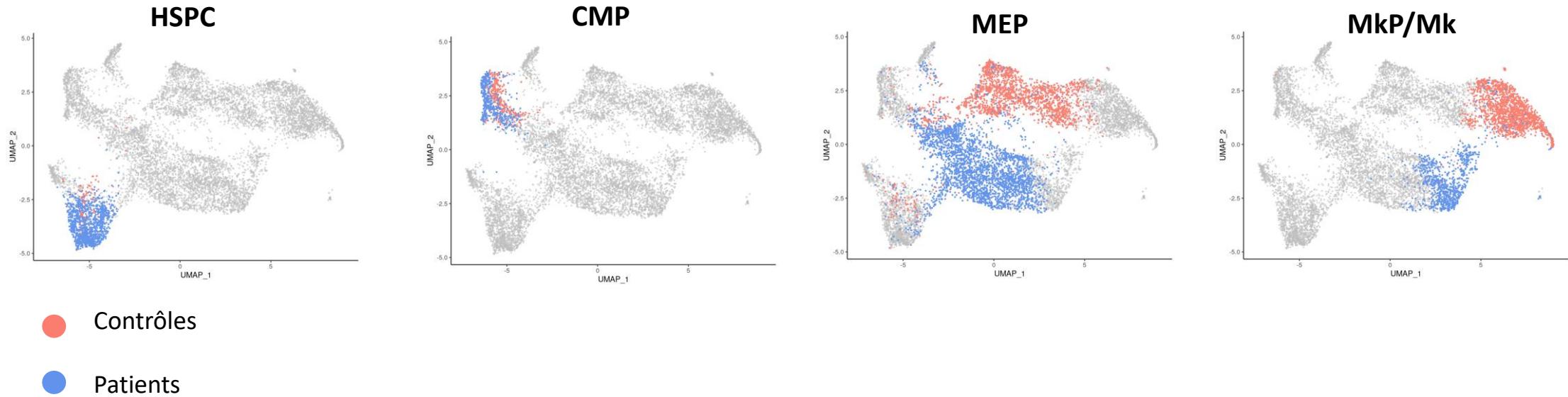
# Identification de populations cellulaires aberrantes chez les patients porteurs de variants ETV6



- Profils des HSPC, CMP et GMP similaires entre témoins et patients ETV6
- MEP et MkP/MK mutés pour ETV6 présentent des profils très différents de ceux des cellules contrôles

*Bigot et al, JTH, 2023*

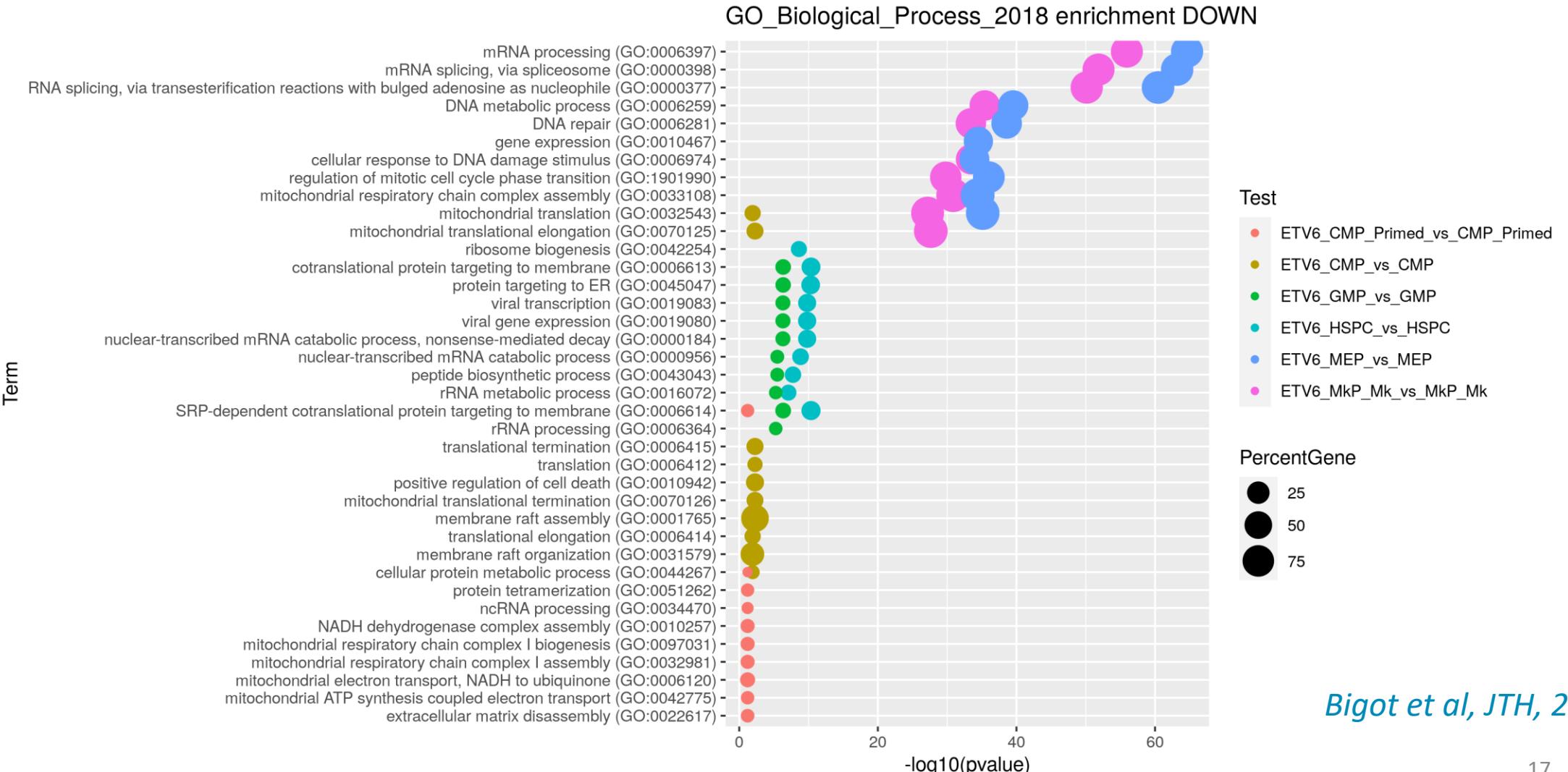
# Identification de populations cellulaires aberrantes chez les patients porteurs de variants ETV6



— Populations aberrantes de MEP et MkP/MK chez les patients porteurs de variants ETV6

Bigot et al, JTH, 2023

# Voies dérégulées chez les patients ETV6



11-13  
SEPT.  
2024CONGRÈS FRANÇAIS  
d'HÉMOSTASE  
LILLE  
GRAND PALAIS

# Voies dérégulées chez les patients ETV6

	Down	Up
MEP	<ul style="list-style-type: none"><li>mRNA processing - splicing- transport</li><li>DNA metabolic process, DNA repair</li><li>Mitochondrial metabolism</li><li>Mitochondrial translation</li><li>Localization to nucleus (mRNA export-protein import)</li></ul>	<ul style="list-style-type: none"><li>Translation</li><li>Endothelial pathway (development, migration, regulation)</li><li>Interferon-gamma- and type 1 mediated signaling</li><li>Antigen processing and presentation</li></ul>
MkP/MK	<ul style="list-style-type: none"><li>Mitochondrial translation</li><li>DNA metabolic process, DNA repair</li><li>Mitochondrial metabolism</li><li>RNA processing, splicing</li><li>Cell cycle</li><li>Localization to nucleus (mRNA export-protein import)</li><li>Platelet degranulation, aggregation, Mk differentiation</li><li>Regulation of actin polymerization or depolymerization</li></ul>	<ul style="list-style-type: none"><li>Translation</li><li>Antigen processing and presentation</li><li>Interferon-gamma- and type 1 mediated signaling</li><li>Histone modifications (regulation, acetylation, demethylation, methylation, phosphorylation, ubiquitylation)</li></ul>

Bigot et al, JTH, 2023

## C2VN – Groupe « plaquette / mega »



Alessi Marie-Christine  
Bastelica Delphine  
Bigot Timothée  
Ibrahim-Kosta Manal  
Gabinaud Elisa  
Hannouche Laurent  
Maurizio Julien  
Saultier Paul  
Suffit Justine  
Veneziano Mathilde



## Equipe 2 C2VN

Morange Pierre  
Thomas Grace  
Peiretti Franck



## CHU Timone-CRPP

Bernot Denis  
Falaise Céline  
Saut Noémie  
Tomei Enora



## Collaborateurs

Potier Delphine CIML  
GBIM plateform MMG



Marseille  
Medical  
Genetics





